

Non-classically secreted proteins should obtain an NN-score / SecP score exceeding the threshold, but not at the same time be predicted to contain a signal peptide.

The recommended thresholds are **0.5** for bacterial sequences and **0.6** for mammalian sequences.

Network 1	Network 2	Network 3	SecP score	Sequence name
0.055619	0.035881	0.112645	0.068048	aspA
0.349554	0.933392	0.427759	0.570235	atpG
0.094833	0.011318	0.196708	0.100953	atpH
0.056094	0.308530	0.159896	0.174840	brnQ
0.199089	0.283534	0.243424	0.242016	ccmH
0.306613	0.233080	0.314320	0.284671	dmsA
0.108806	0.014259	0.171079	0.098048	dnaK
0.100381	0.594114	0.214839	0.303111	dsb
0.068498	0.525478	0.200528	0.264835	exbB
0.082944	0.306613	0.109681	0.166413	exbD
0.063864	0.537430	0.153944	0.251746	frdA
0.292763	0.361929	0.282316	0.312336	frdB
0.093299	0.897431	0.204403	0.398378	frdC
0.031038	0.812601	0.131930	0.325190	frdD
0.065866	0.056893	0.132619	0.085126	glpR
0.075508	0.000821	0.116294	0.064208	guaB
0.082944	0.266784	0.212320	0.187349	hemA
0.091040	0.077201	0.148173	0.105471	hemB
0.050068	0.510498	0.139314	0.233293	hybB
0.087864	0.024795	0.100381	0.071013	lldD
0.065682	0.003030	0.096913	0.055208	lpdA
0.070831	0.159494	0.161922	0.130749	malF
0.058856	0.862119	0.175375	0.365450	malG
0.085724	0.059357	0.110563	0.085215	malP
0.093808	0.004416	0.115679	0.071301	moaA
0.084556	0.040738	0.118157	0.081150	moaE
0.079585	0.020918	0.148173	0.082892	murD
0.927169	0.999851	0.871804	0.932941	napB
0.820686	0.973169	0.752129	0.848661	nrfa
0.905424	0.893785	0.908711	0.902640	nrfb
0.917284	0.911895	0.825058	0.884746	ompW
0.078928	0.340066	0.121639	0.180211	pgaC
0.072225	0.005189	0.104518	0.060644	prc
0.080913	0.006868	0.100924	0.062902	purF
0.057378	0.010171	0.089806	0.052452	rbsA
0.764228	0.993234	0.669959	0.809140	rbsB
0.233617	0.109389	0.284754	0.209253	rfaC
0.092289	0.937027	0.105364	0.378227	secB
0.814874	0.999904	0.817127	0.877302	tatB
0.091289	0.047156	0.201009	0.113151	ureA
0.099840	0.008767	0.132964	0.080524	ureB
0.214839	0.007645	0.203429	0.141971	ureC
0.070437	0.070045	0.129882	0.090121	ureE
0.125868	0.040156	0.235232	0.133752	ureF
0.049219	0.039354	0.065314	0.051296	ureG

0.100381

0.267959

0.185579

0.184640

ureH

Explain the output. Go **back**.
